

第六届全国小麦基因组学及分子育种大会第二轮通知

为充分展示我国小麦基因组学与分子育种研究所取得的重要进展，推动小麦基因组学及其相关研究领域的发展，由中国作物学会及9个国家级、部级重点实验室（中心）共同发起的第六届全国小麦基因组学及分子育种大会定于2015年8月17日-19日在陕西杨凌召开。会议内容包括小麦结构与功能基因组学，小麦基因资源，小麦基因组育种及其与常规育种的结合，并围绕小麦基因组学及分子育种进行专题讨论。会议将邀请小麦基因组学和育种领域知名科学家作学术研究报告。我们诚挚邀请全国从事相关研究的专家学者和研究生参加本次大会。

时 间：

会议时间：2015年8月17日报到，8月18日-19日开会

会议摘要提交截止日期：2015年7月30日

地 点：陕西杨凌鑫诚田园山庄酒店（杨凌示范区邠城南路1号）



主办单位：中国作物学会

承办单位：西北农林科技大学

协办单位：农作物基因资源与基因改良国家重大科学工程

植物细胞与染色体工程国家重点实验室

旱区作物逆境生物学国家重点实验室

作物遗传与种质创新国家重点实验室

作物生物学国家重点实验室

国家小麦改良中心

西南作物基因资源与种质创新国家重点实验室

农业部麦类生物学与遗传育种重点实验室

农业部作物基因资源与种质创制重点实验室

大会组委会：

名誉主席：庄巧生 中国农业科学院作物科学研究所

李振声 中国科学院遗传与发育生物学研究所

刘旭 中国农业科学院

程顺和 江苏省里下河地区农科所

赵振东 山东省农业科学院

主席：贾继增 中国农业科学院作物科学研究所

秘书长：孙其信 西北农林科技大学

成员：（以姓氏拼音为序）

种康 中国科学院植物研究所

崔党群 河南农业大学

郭进考 河北省石家庄市农科院

何中虎 中国科学院作物科学研究

孔令让	山东农业大学
刘志勇	中国农业大学
马正强	南京农业大学
马传喜	安徽农业大学
宋卫宁	西北农林科技大学
孙其信	西北农林科技大学
王道文	中国科学院遗传与发育生物学研究所
许为钢	河南省农科院
张爱民	中国科学院遗传与发育生物学研究所
郑有良	四川农业大学

报告专题：

- 1 小麦基因组学
- 2 小麦新基因发掘
- 3 小麦分子育种与种质创新
- 4 小麦远缘杂交与染色体工程
- 5 小麦遗传多样性与起源进化

大会报告分特邀报告（30 分钟）、一般报告（20 分钟）和研究生报告（15 分钟）三类。特邀报告由组委会邀请产生，一般报告与研究生报告由组委会从提交的论文摘要中择优产生。

拟邀请的大会报告人：（按姓名汉语拼音排序）

姓名	单位
Jorge Dubcovsky	University of California, Davis
种 康	中国科学院植物研究所
储成才	中国科学院遗传发育研究所

康振生	西北农林科技大学
刘登才	四川农业大学
李俊明	中国科学院遗传与发育生物学研究所
李立会	中国农业科学院作物科学研究所
宋卫宁	西北农林科技大学
孙其信	西北农林科技大学
王道文	中国科学院遗传与发育生物学研究所
王际睿	四川农业大学
许为刚	河南省农业科学院
殷贵鸿	周口市农业科学院

会议注册:

请各位参会人员填写会议回执（附件 1）进行注册，并将回执发送至：
biowangxm@163.com。7 月 10 日后注册的正式代表 1000 元，学生代表 800 元。注册
截止期为 7 月 30 日，截止期后注册的代表会务组不保证住宿。

注册费缴纳:

请通过银行汇款缴纳注册费，备注“小麦基因组会议”，并在汇款后将汇款凭单扫描件发送至邮箱：biowangxm@163.com。网上缴费截止期为 7 月 30 日，截止期后，
请代表到现场后缴费。

帐号信息如下：

户名：西北农林科技大学

账号：102810820826

开户银行：中国银行杨凌农业高新技术产业示范区支行

行号：104795000248

论文摘要:

原则上字数不超过 500 字，文责自负（格式参阅附件 2：摘要模板）。组委会将从提交的摘要中选择一部分作为大会报告。请将论文摘要发送至：
biowangxm@163.com，截止日期 7 月 30 日。

墙 报:

大会鼓励墙报（120cm×90cm）交流，并评选优秀墙报予以奖励。

商业赞助信息:

欢迎公司和企业为会议提供赞助，会议将为公司和企业提供试剂和设备展示的空间，同时我们将在会议论文摘要集中留出一定的空间用于公司产品宣传和广告。相关事宜请与大会组委会联系。

联系人:

王小明 15529027437 biowangxm@163.com

李向拓 029-87082845 lixiangtuo@nwsuaf.edu.cn

温馨提示:

为了不耽搁行程，请各位参会人员提早预定往返车（机）票。杨凌鑫诚田园山庄酒店的住宿标准大约为 228 元/晚（标间与单间价格相同）。

参会人员到达杨凌汽车站、火车站或杨凌高铁站后，请自行乘坐出租车到鑫诚田园山庄酒店，打车费用 10 元以内。

西安咸阳机场——杨凌巴士日前每日两班，全程 80 公里，运行约 70 分钟，票价 35 元，咸阳机场发车时间为：10:00、15:00；杨凌发车时间为：13:00、17:00。会务组初步确定在 8 月 17 日 12:00、18:00 增开两趟西安咸阳机场——杨凌巴士。

西北农林科技大学旱区作物逆境生物学国家重点实验室 西北农林科技大学农学院

第四届全国小麦基因组学及分子育种大会会议组委会(代章)

旱区作物逆境生物学国家重点实验室 2015 年 7 月 20 日



附件 1:

《第六届全国小麦基因组学及分子育种大会》报名回执表

单 位	姓 名	性 别	职 称	电 话 (手机)	E-mail	住 宿 起止日期	房间种类 及房间数

附件 2: 摘要模板

粗山羊草叶绿体基因RNA编辑位点的鉴定与分析

王梦醒^{1,2} 詹豪爽^{1,2} 吕萌荔^{1,2} 刘思妍^{1,2} 宋卫宁^{1,2*}

¹西北农林科技大学农学院, 陕西杨凌712100; ²旱区作物逆境生物学国家重点实验室,

陕西杨凌712100;

*通讯作者: sweining2002@yahoo.com

摘 要: RNA 编辑是高等植物叶绿体基因转录后表达调控的一种重要方式。本研究利用生物信息学方法,预测出粗山羊草叶绿体基因组分布于 15 个蛋白编码基因的 34 个 RNA 编辑位点,均为 C 到 U 的转换,其中以 *ndhB* 最多,有 9 个编辑位点…… 本研究结果可为解析粗山羊草叶绿体基因的表达调控和探讨禾本科物种的起源进化提供理论依据。(不超过 500 字)

关 键 词: RNA 编辑,粗山羊草,叶绿体,鉴定,分析

会议专题: 小麦基因组学